



بررسی خواص آنتی اکسیدانی رنگدانه‌های جدا شده از مخمرهای پساب کارخانجات مواد غذایی

محدثه لاری پور^{۱*}، مینا شکری مقدم^۲

^۱گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم زیستی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد تهران شمال

^۲گروه بیوتکنولوژی، دانشکده علوم زیستی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد تهران شمال

تاریخ دریافت: ۱۴۰۲/۰۵/۱۵ تاریخ پذیرش: ۱۴۰۲/۰۷/۱۰

چکیده

خواص کاربردی رنگدانه‌ی مخمرهای بومی در بیوتکنولوژی اثبات شده است. توان تولید رنگدانه و خواص آنتی اکسیدانی گونه‌های مخمری بومی مورد بررسی این پژوهش است. در این مطالعه از بین ۲۶ نمونه‌ی پساب مواد غذایی، پنج جدایه مخمری در طی مراحل نمونه برداری و تست‌های تشخیصی بیوشیمیایی، میکروسکوپی و ماکروسکوپی شناسایی شدند. توان تولید رنگدانه و خواص آنتی اکسیدانی آن با روش‌های DPPH و TEAC و IC50 در جدایه‌ها بررسی شد. در مقایسه با سویه استاندارد، سویه‌های برتر انتخاب و با استفاده از روش PCR و رسم درخت فیلوژنی با استفاده از نرم‌افزار MEGA7 مشخص شدند. براساس نتایج به دست آمده، جدایه یک *Rhodotorula sp.* EY12114 (LC229721.1)، جدایه دو *Rhodotorula mucilaginosa* ITS1 و جدایه پنج *Rhodotorula mucilaginosa* OMA Y14 (KR2649021) (MG0206871)، ۳ جدایه برتر بودند. بیشترین میزان تولید رنگدانه توسط جدایه ۵ (۳۹/۰۲۸ PPM) بود که در مقایسه با نمونه استاندارد *Rhodotorula glutinis* PTCC5256 (۴۷/۷۳۱ PPM) می‌باشد. جداسازی و تجاری سازی گونه‌های بومی از پساب کارخانجات و بهینه سازی تولید متابولیت‌های زیست سازگار صنعتی آنها مانند رنگدانه‌ها که به عنوان آنتی اکسیدان، رنگ مجاز خوراکی و نگهدارنده در تولید فراورده های غذایی استفاده می شود علاوه بر بازده صنعتی با کیفیت بالا، صرفه اقتصادی فراوانی نیز دارد.

واژگان کلیدی: رنگدانه، آنتی اکسیدان، *Rhodotorula*

* m.larypoor@iautnb.ac.ir

مقدمه

در چند دهه گذشته، به دلیل بروز بیماری‌های مختلف ناشی از استفاده از رنگ‌های مصنوعی خوراکی و به دلیل تقاضای زیاد مصرف کنندگان برای استفاده از محصولات طبیعی، جایگزینی رنگ‌های طبیعی با رنگدانه‌های مصنوعی روند افزایشی دارد (۱). در طول سال‌ها، صدها رنگ خوراکی مصنوعی معرفی شده‌اند، اما بیشتر آنها سمی تشخیص داده شدند و نگران کننده‌ترین ادعا درباره رنگ‌های خوراکی مصنوعی احتمال ایجاد سرطان است (۲). به دلیل خطرات احتمالی ناشی از مصرف رنگ‌های مصنوعی بر سلامت انسان، بررسی‌های پژوهشگران بر روی این مورد متمرکز شده است. رنگ‌ها ظاهر جذابی به محصولات قابل فروش مانند محصولات غذایی، پارچه، محصولات دارویی و... می‌دهند. رنگ‌ها زیبایی جهان هستند و جهان بدون رنگ قابل تصور نیست. رنگدانه‌های طبیعی از زمان‌های گذشته رایج بوده‌اند و به علت مشکلات سمیت ناشی از رنگدانه‌های مصنوعی و نیز به علت اثرات ضد میکروبی و آنتی اکسیدانی رنگدانه‌های طبیعی، تمایل به آنها افزایش یافته است (۳). با توجه به هزینه بالای تولید رنگدانه‌های طبیعی مواد غذایی به عنوان بزرگترین مانع، مطالعات پژوهشگران بر کاهش هزینه تولید رنگدانه با استفاده از مخمرها پایه ریزی شده است.

ظاهر رنگارنگ مواد غذایی با افزایش ویژگی‌های حسی، در افزایش مصرف آنها توسط مشتریان نقش مهمی دارد. بنابراین، فعالان صنعت غذا برای رسیدن به این هدف، از انواع رنگ‌ها برای ایجاد تنوع و افزایش جذابیت در محصولات غذایی استفاده می‌کنند. رنگدانه‌ها اهمیت زیادی در تولید محصولات در صنایع مختلف دارند و به عنوان افزودنی‌ها، تقویت کننده‌های رنگ، آنتی اکسیدان‌ها و مواردی از این دست استفاده می‌شوند (۶ و ۵). از سویی، رنگدانه‌های مصنوعی باعث آلودگی محیط زیست و عوارض جانبی سمی ناشی از آن می‌شوند. بنابراین، ضروری

است که انواع مختلفی از مواد طبیعی برای رنگ آمیزی مواد غذایی و پتانسیل استفاده آنها بررسی شود (۷). رنگدانه‌های استخراج شده از میکروارگانیسم‌ها به دلیل زیست سازگار بودن، حلیت در مواد غذایی، سالم بودن، اثرات ضد میکروبی، اثرات آنتی اکسیدانی، اثرات ضد سرطان، ایجاد تنوع در رنگ مواد غذایی و اثرات نگهدارنده مواد غذایی، در تولید محصولات سالم غذایی اهمیت زیادی دارند (۸).

از میان میکروارگانیسم‌ها، قارچ‌ها مهم‌ترین تولید کنندگان رنگدانه به شمار می‌روند (۴). شواهد علمی در حال رشدی در مورد مزایای بالقوه رنگدانه‌های کاروتنوئید بر سلامت انسان و حیوانات وجود دارد. همچنین، تاثیر مثبت رژیم غذایی غنی از کاروتنوئیدها در مقابله با بیماری‌های خطرناک مختلفی مطرح شده است. بنابراین، کاروتنوئیدها یکی از ترکیبات با ارزش و کاربردی در صنایع مختلف دارویی، شیمیایی، غذا، خوراک و سایر صنایع وابسته می‌باشند. سنتز کاروتنوئیدهای مختلف طبیعی تجاری مهم (کاروتن، ترولن، تورولورودین و آستاگزانتین) توسط گونه‌های مختلف مخمر متعلق به جنس *فافیا ردوزیما*^۱، *رودوتورولا*^۲، *ردوسپوریدیم*^۳، *اسپوروبولوماست*^۴ به عنوان منبع طبیعی کاروتنوئید شناخته شده است.

بر طبق مطالعات، کاروتنوئیدها در به تاخیر انداختن و جلوگیری از پیری، بیماری‌های قلبی، بیماری‌های چشمی و سرطان مورد توجه هستند (۹). امروزه رنگدانه‌های تجاری از میکروارگانیسم‌ها یا گیاهان به دست می‌آیند. این رنگدانه‌ها می‌توانند برای رنگ آمیزی مواد غذایی و مکمل‌های غذایی استفاده شوند. از میان میکروارگانیسم‌ها، مخمرها یکی از مناسب‌ترین گروه‌های میکروبی برای تولید طیف وسیعی از رنگدانه‌ها هستند. مخمرها به دلیل قدرت تجزیه و تولید طیف گسترده‌ای از ترکیبات کربنی و رشد مطلوب در دمای محیط، منابع مهمی در تولید رنگدانه‌های صنعتی می‌باشند (۱۰).

³ *Rhodospiridim*⁴ *Sporobolomyces*¹ *Phaffia rhodozyma*² *Rhodotorula*

نشان داده شده است که پیچیا^۱ و رودوترولا برای تخریب زیست محیطی پساب‌های سیب زمینی و گلیسرول استفاده شده است (۱۵).

بسیاری از کارخانجات، پساب‌هایی حاوی ترکیبات مغذی برای رشد میکروارگانیسم‌ها تولید می‌کنند. پساب کارخانجات تولید کننده چرم، پارچه و مواد غذایی از جمله لبنیات، فراورده‌های گوشتی و پروتئینی مانند سوسیس و کالباس و کارخانجات تولید کننده محصولات کنسروی مهمترین این پساب‌ها می‌باشند (۱۶). تولید رنگدانه از مخمرهای جدا شده از پساب کارخانجات، به دلیل ارزان بودن مخمر نه تنها یک راهکار مناسب برای کاهش هزینه‌ها در تولید رنگدانه‌ها است، بلکه با عملکرد مخمر و فروشوی پساب‌ها، محیط زیست نیز از آلودگی‌ها پاک می‌شود و سلامت انسان و محیط زیست کمتر به مخاطره می‌اندازد. همچنین، این مخمرها به دلیل بومی، ارزان و در دسترس بودن، می‌توانند با کمترین هزینه محصولات مفیدی را برای سلامت انسان و محیط زیست تولید کنند و بنابراین برای معرفی به صنعت و تجاری سازی بسیار مناسب می‌باشند (۱۷). در این پژوهش بر جداسازی مخمرهای بومی از پساب کارخانجات مواد غذایی، استخراج رنگدانه‌های مختلف از مخمرها، سنجش خواص آنتی اکسیدانی در آزمایشگاه و معرفی گونه‌های مخمر بومی تولید کننده رنگدانه برای صنعتی شدن تلاش شده است.

مواد و روش‌ها

جمع آوری نمونه‌ها

نمونه برداری طی سه مرحله انجام شد. مرحله اول نمونه برداری در فروردین ۹۷ از سه کارخانه تولید کننده فراورده‌های گوشتی پاک تلیسه ۱، پاک تلیسه ۲ و آندره در اطراف کرج، مرحله دوم جداسازی از دو کارخانه تولید کننده لبنیات دامداران و کنسرو سازی سحر در اطراف تهران در اردیبهشت ۹۷ و مرحله سوم از دو کارخانه تولید کننده کنسرو سازی بهرام و چاشنی واقع در چهارباغ در خرداد ۹۷

در حال حاضر گونه‌های مخمری متعلق به جنس، رودوترولا و فافیا، به عنوان منابع رنگدانه بالقوه می‌باشد که در بسیاری از فرایندهای تولیدی در واحدهای صنعتی، محصولات جانبی تولید می‌شود (۹). برای این محصولات جانبی هیچ مفهوم مدیریتی منطقی وجود ندارد و دفع آنها در شرایط طبیعی ممکن است منجر به تخریب پیشرونده محیط زیست شود. نمونه‌هایی از این ضایعات عبارتند از فاضلاب سیب زمینی که در تولید نشاسته سیب زمینی و گلیسرول به عنوان سوسترای تولید بیودیزل، به کار می‌رود که می‌تواند به صورت طبیعی حاوی گونه‌های مخمری باشد (۱۱).

آنتی اکسیدان‌ها با جلوگیری از تولید رادیکال‌های آزاد و یا تبدیل آنها به اشکالی با فعالیت کمتر، تهدید رادیکال‌های آزاد را برای حیات سلول‌ها از بین می‌برند. آنتی اکسیدان‌ها به عنوان داروی ضد پیری و ضد سرطان، درمان کننده بیماری‌های قلبی-عروقی و بیماری‌های میتوکندریایی، بیماری هانتینگتون و بیماری‌های تخریب کننده اعصاب نظیر بیماری پارکینسون استفاده می‌شوند (۱۲). علاوه بر این، تجویز خوراکی برخی از آنتی اکسیدان‌ها مکمل افزایش انرژی و تقویت سیستم ایمنی می‌باشند (۱۳ و ۱۲). مرکز کنترل و نظارت بر محصولات غذایی، آنتی اکسیدان‌ها را تحت عنوان افزودنی‌های غذایی طبقه بندی کرده است و آنها را مواد محافظت کننده غذا عنوان می‌کند. بیشتر مطالعات بر روی آنتی اکسیدان‌ها در غذاها، بر تأخیر اکسیداسیون لیپیدی تأکید دارند، که با به تأخیر انداختن تجزیه و فساد مواد غذایی به عنوان وظیفه آنتی اکسیدان‌ها عمل می‌کنند (۱۴). در مجموع آنتی اکسیدان‌ها کاربردهای دارویی و غذایی فراوانی دارند.

تجزیه زیستی یک روش جایگزین برای تجزیه آلاینده‌ها با استفاده از موجودات زنده است. مسئله اساسی در این مورد، انتخاب میکرو ارگانیسم‌هایی است که بتوانند در زمان کوتاهی بدون تولید متابولیت‌های سمی، آلاینده‌ها را تجزیه کند و به ترکیباتی ساده و زیست تخریب پذیر تبدیل کند تا به چرخه تجزیه محیطی ورود پیدا کند. در بررسی‌ها

¹ Pichia

از پساب‌های مختلف انجام شد. تمام نمونه‌ها در لوله فالكون استریل ۵۰ ml ریخته شد و بلافاصله به یخچال آزمایشگاه دانشگاه آزاد اسلامی واحد تهران شمال منتقل شدند. تعداد کل نمونه‌ها بر اساس فرمول کوکران ۲۶ مورد تعیین شد.

جداسازی مخمرها

ابتدا محیط کشت سابورو دکستروز آگار و پتیتو دکستروز آگار تهیه شد. برای جلوگیری از رشد باکتری‌ها آنتی‌بیوتیک تتراسایکلین (به ازای هر ۱۰۰۰ ml محیط کشت ۰/۱ g تتراسایکلین) به محیط‌های کشت اضافه شد. پس از آماده شدن محیط‌ها برای افزایش احتمال جداسازی مخمر، از نمونه‌ها به سه شکل رسوب، سوپرناتانت و نمونه کامل قبل از سانتریفیوژ (دور ۱۰۰۰ برای ۱۵ دقیقه) پس از شیک کردن کشت داده شد و نمونه‌ها به مدت ۴۸ h در دمای ۳۰°C انکوبه شدند. سپس، مخمرهای رشد کرده برای تشخیص بیشتر و بهتر در محیط‌های اختصاصی کشت داده و انکوبه شدند. تمام ایزوله‌های مخمرهای جدا شده از پساب، روی محیط کروم آگار به روش خطی کشت داده شدند. پلیت‌ها در دمای ۳۰°C به مدت ۴۸ h گرما گذاری و پس از آن رنگ کلنی‌ها مطابق بروشور شرکت تولید کننده بررسی شد. به عنوان مثال کاندیدا در این محیط به رنگ سبز آبی، پیچیا و رودوترولا به رنگ صورتی نارنجی دیده می‌شوند. از محیط کورن میل آگار برای تولید کلانیدوسپور برای شناسایی گونه‌هایی مانند کاندیدا آلبیکنس^۱ استفاده می‌شود. از هر نمونه برای جلوگیری از خطای کار سه بار کشت تهیه شد. (۱۸)

شناسایی میکروسکوپی مخمرها

از کلنی به دست آمده بر روی محیط‌های کشت با استفاده از رنگ آمیزی گرم لام تهیه شد و خصوصیات مخمری در زیر میکروسکوپ با بزرگنمایی ۴۰× بررسی شد.

شناسایی مخمرها با استفاده از تست‌های

بیوشیمیایی

تست تخمیر قند

ابتدا محیط فتل رد براث در داخل ارلن ریخته شد و بر روی هیتز گذاشته شد. پس از حل شدن کامل محلول، قند مورد بررسی به ارلن اضافه و سپس از کشت تازه مخمر بر روی محیط واجد قند کشت داده شد. محیط کشت به مدت ۴۸ h در دمای ۳۰°C گرما گذاری شد. در طول این مدت در صورت تغییر رنگ محیط کشت به زرد نتیجه مثبت و در صورت عدم تغییر رنگ منفی گزارش می‌شود (۱۸).

تست اوره آز

با استفاده از آنس یک کلنی از کشت تازه مخمر برداشته شد و در محیط حاوی اوره تعلیق شد. سپس، نمونه‌ها به مدت ۳ روز در دمای ۳۰°C گرما گذاری شد. در این روش، تغییر رنگ محیط در درون لوله‌ها از صورتی به قرمز به معنای مصرف اوره و رشد مخمرها است (۱۸).

تست سیترات

با استفاده از آنس یک کلنی از کشت تازه مخمر برداشته شد و در محیط حاوی سیمون سیترات تعلیق شد. سپس، نمونه‌ها به مدت ۱ هفته در دمای ۲۸°C گرما گذاری شدند. در صورت توانایی جدایه در جذب منبع نیترات رشد مخمر در لوله‌ها با تغییر رنگ همراه است. در صورت مثبت بودن آزمون، لوله‌ها به رنگ آبی قابل مشاهده است (۱۸).

تست تولید آسکوسپور

برخی از مخمرها مانند ساکارومایسس سرویزیه^۲ بر روی محیط کشت اختصاصی عصاره هشت سبزیجات^۳ تکثیر جنسی انجام می‌دهند. پس از تشکیل کلنی نمونه‌های مخمری بر روی محیط کشت اختصاصی، لام تهیه و فیکس شد. سپس، روی گسترش با محلول ۵٪ رنگ مالاشیت به مدت ۳۰ تا ۶۰ پوشانده شد و ۳ تا ۴ بار حرارت داده شد. لام با آب شسته شد و زمینه آن به مدت ۳۰ s با سافرانین ۱۵٪ زمینه لام را رنگ آمیزی شد. سپس، لام شسته شد و بررسی شد. تولید آسکوسپور بالغ به رنگ آبی متمایل به سبز و سلول‌های زایا به رنگ قرمز می‌باشد (۱۸).

تست احیاء نیترات

³ V8 Agar

¹ *Candida albicans*

² *Saccharomyces cerevisiae*

$$= \frac{100 - (\text{نمونه جذب} - \text{جذب منفی کنترل}) \times 100}{\text{جذب نمونه کنترل منفی}}$$

میزان فعالیت آنتی اکسیدانی

نمونه بلانک شامل: مخلوط ۲ ml متانول و ۲ ml رنگدانه
نمونه کنترل منفی شامل: شامل ۲ ml محلول دی‌پی‌پی‌اچ و ۲ ml رنگدانه با غلظت مورد استفاده

تست نیمه حداکثر غلظت بازدارندگی

نیمه حداکثر غلظت بازدارندگی (IC₅₀)^۲ وزنی از نمونه (mg) یا رقتی از محلول (mg/ml) است که در آن ۵۰ درصد مهار کنندگی رادیکال‌های آزاد به دست می‌آید. در این پژوهش میزان نیمه حداکثر غلظت بازدارندگی تکرارهای مختلف آزمایش محاسبه شد و با نیمه حداکثر غلظت بازدارندگی ویتامین C - به عنوان شاخص سنجش فعالیت آنتی اکسیدانی - مقایسه شد. هرچه مقدار به دست آمده به نیمه حداکثر غلظت بازدارندگی ویتامین C نزدیکتر باشد، نمونه مورد نظر فعالیت آنتی اکسیدانی قویتری خواهد داشت. برای این کار ۳ نمونه استوک با غلظت ۱ (mg/ml) تهیه شد. در مرحله بعد سریال رقتی از هر نمونه تهیه شد و غلظت مهار ۵۰ درصدی ۳ نمونه جداگانه اندازه‌گیری و میانگین محاسبه شد. ویتامین C با غلظت‌های مختلف نیز به عنوان کنترل مثبت در نظر گرفته شد. تمام آزمایش‌ها به صورت ۳ بار تکرار انجام شد. (۱۹)

تست تاک

یکی از روش‌های سنجش ظرفیت آنتی اکسیدانی تست تاک (TEAC)^۳ است که در این مطالعه از آن استفاده شد. برای تهیه رادیکال ای‌بی‌تی‌اس (ABTS)^۴ ابتدا یک محلول آبی از ای‌بی‌تی‌اس به غلظت ۷ mmol تهیه شد. به این محلول، پتاسیم پرسولفات اضافه شد تا غلظت نهایی آن به ۲/۴۵ mmol در محلول برسد. محلول حاصل به مدت ۱۶ h در شرایط دمای اتاق و تاریکی قرار داده شد. در این مدت از مولکول ای‌بی‌تی‌اس، رادیکال کاتیون ای‌بی‌تی‌اس تولید شد.

از کشت تازه مخمر، به محیط احیای نیترات حاوی نوترینت برات همراه ۰/۱٪ نیترات پتاسیم به عنوان منبع ازت تلقیح شد. سپس، به مدت ۴۸ °C در دمای ۳۰ °C گرماگذاری شد. پس از گرماگذاری به محیط کشت‌ها دو نوع معرف آ (اسید سولفانلیک) و بی (آلفانفیتیل آمین) اضافه شد. ظهور رنگ قرمز پس از افزودن دو معرف نشانه وجود نیتريت در محیط و مثبت بودن آزمایش است (۴).

استخراج مستقیم پیگمان با اتانول

برای انجام هر آزمایش، مقدار ۵ ml محیط کشت حاوی سلول‌های مخمر (۲۵ gr) با سرم فیزیولوژی شستشو داده شد و مقدار ۱۰ ml اتانول به طور مجزا به سلول‌های مخمر افزوده شد. سپس، سلول‌ها به مدت ۵ min ورتکس شدند. برای جداسازی مخمرها از حلال، نمونه‌ها به مدت ۱۰ min با دور ۴۵۰۰×g در دمای ۴ °C سانتریفیوژ شدند. سپس، محلول حاصل با استفاده از فیلترهای مقاوم به حلال، فیلتر شد و در نهایت جذب رنگ با استفاده از دستگاه اسپکتروفتومتری در طول موج ۴۷۰ nm اندازه‌گیری شد (۴).

تعیین بیومس مخمر

محیط کشت را در دور ۱۰۰۰ به مدت ۱۵ min سانتریفیوژ شد و ۲ مرتبه با آب مقطر شستشو داده شد. سپس، در دمای ۵۵ °C به مدت ۲۴ h خشک شد (۴).

تعیین اثرات آنتی اکسیدانی

تعیین دی‌پی‌پی‌اچ

در مطالعه حاضر برای تعیین ظرفیت آنتی اکسیدانی از دی فنیل پیکریل هیدرازیل یا به اختصار دی‌پی‌پی‌اچ (DPPH)^۱ استفاده شد. در این روش ۱۰۰ μmol از محلول DPPH در متانول با ۲ ml از غلظت‌های ۵، ۱۰، ۲۰ و ۴۰ رنگدانه مخلوط شد. مخلوط به دست آمده ۳۰ min در دمای اتاق قرار گرفت. پس از آن جذب نمونه‌ها در ۵۲۰ nm توسط اسپکتروفتومتر اندازه‌گیری شد و میزان فعالیت آنتی اکسیدانی با استفاده از فرمول زیر محاسبه شد:

^۳ Trolox equivalent antioxidant capacity (TEAC)

^۴ 2,2'-Azino-bis(3-ethylbenzthiazoline-6-sulfonic acid)

^۱ 2,2-diphenyl-1-picrylhydrazyl

^۲ Half maximal inhibitory concentration

مقدار ۲۰ µl از نمونه‌ها با ۲ ml از محلول ای بی تی اس مخلوط شد. سپس، جذب آن در ۷۳۴ nm در زمان‌های ۲، ۴ و ۶ پس از مخلوط کردن خوانده شد (۲۰).

شناسایی ژنتیکی سوش‌های برتر

پس از انجام آزمایشات تعیین اثرات آنتی اکسیدانی و تولید رنگدانه، سوش‌های با نتیجه بهتر برای شناسایی مولکولی انتخاب شدند و استخراج DNA انجام شد. رسوب حاصل، یک باره با محیط کشت تلقیح نشده استریل شسته شد و پس از سانتریفیوژ بر روی رسوب به دست آمده ۲۳۰ ml بافر لیز اضافه شد و به مدت ۳ h در دمای ۳۷ °C قرار داده شد. سپس، ۰/۴ g دانه شیشه‌ای استریل و ۲۰۰ ml مخلوط فنل-کلروفرم (۱:۱) اضافه شد و پس از مخلوط کردن، به مدت ۱۰ min در ۱۴۰۰۰ rpm و ۴ °C سانتریفیوژ انجام شد. مایع رویی به آرامی به میکروتیوب استریل دیگری منتقل شد و ۶۰۰ ml اتانول سرد به آن اضافه شد و به مدت ۳۰ min فریزر ۲۰ °C قرار داده شد. پس از این مرحله، به مدت ۳۰ min در ۴ °C و ۱۴۰۰۰ rpm سانتریفیوژ انجام شد و مایع رویی دور ریخته شد. پس از خشک شدن نمونه در ۳۷ °C، ۲۰ ml بافر TE و ۵ ml آنزیم RNase به آن افزوده شد و به مدت ۱۰ min در ۳۷ °C قرار داده شد. پس از پایان این مرحله، ۸ از نمک طعام ۵ M افزوده شد و در پایان ۲ ml ماده اولیه با اتانول سرد به حجم نهایی رسانده شد (تقریباً معادل ۴۳۰ ml) و ۳۰ min در دمای ۲۰ °C - نگهداری شد. در مرحله بعد DNA با کمک سانتریفیوژ در ۱۴۰۰۰ rpm و ۴۰ °C به

مدت ۳۰ min رسوب داده شد. مایع رویی به آرامی بیرون ریخته شد و میکروتیوب‌ها در ۳۷ °C خشک شد. رسوب حاصل در ۵۰ ml بافر TE سوسپانسیون شد. خلوص نمونه‌ها با دستگاه نانودراپ^۱ کنترل شد و نمونه‌ها در ۴ °C ذخیره شد. برای شناسایی ایزوله‌ها از جفت پرایمرهای نام برده شده در جدول ۱ برای تکثیر ناحیه مناطق D1-D2 مربوط به DNA ریبوزومی استفاده شد (۲۱). پس از مشاهده باندها بر روی ژل الکتروفورز، توالی‌ها بلاست شده و میزان شباهت هر ایزوله با مخمرها با رسم درخت فیلوژنی با استفاده از نرم‌افزار رسم درخت فیلوژنی (Mega7) تعیین می‌شود.

تهیه سوش استاندارد

سوش استاندارد رودوترولا گلوٹینیس^۲ از PTCC5256 مرکز پژوهش‌های علمی صنعتی ایران خریداری شد. این سوش در محیط سابورو دکستروز براث کشت شد و ۳ روز در دمای ۳۰ °C گرماگذاری شد. سپس، به محیط جامد سابورو دکستروز اگر منتقل شد و به مدت ۵ روز در دمای ۳۰ °C گرماگذاری شد.

آنالیز آماری

برای انجام محاسبات آماری تمام تست‌ها ۳ بار تکرار شد و نتایج به صورت میانگین با احتساب انحراف معیار گزارش شد. برای مقایسه میانگین‌ها از آزمون ANOVA و Tukey استفاده شد و میزان معنی‌داری با سطح اطمینان ۵٪ بیان شد.

جدول ۱. مشخصات پرایمرهای مورد استفاده برای شناسایی ژنتیکی

نام پرایمر	توالی	طول توالی‌ها	دفرنس
ITS1-R	CTTGGTCATTTAGAGGAAGTAA	22bp	Manter et al. 2007
ITS1-F	GAACCAGTAAATCTCCTTCAT	21bp	
ITS2-R	GCTGCGTTCTTCATCGATGC	20bp	Manter et al. 2007
ITS2-F	CGACGCAAGGTAGCTAC	17bp	
ITS4-R	TCCTCCGCTTATTGATATGC	20bp	Manter et al. 2007
ITS4-F	AGGAGCGGAATAACTATACGCCAG	24bp	

² *Rhodotorula glutinis*

¹ Nanodrop

نتایج

نمونه برداری

از میان ۲۶ نمونه برداشت شده از کارخانجات مواد غذایی اطراف کرج، پنج جدایه مخمری جداسازی شد و برای شناسایی‌های میکروسکوپی، ماکروسکوپی و بیوشیمیایی و مولکولی طی آزمایشات بعدی کنار گذاشته شد.

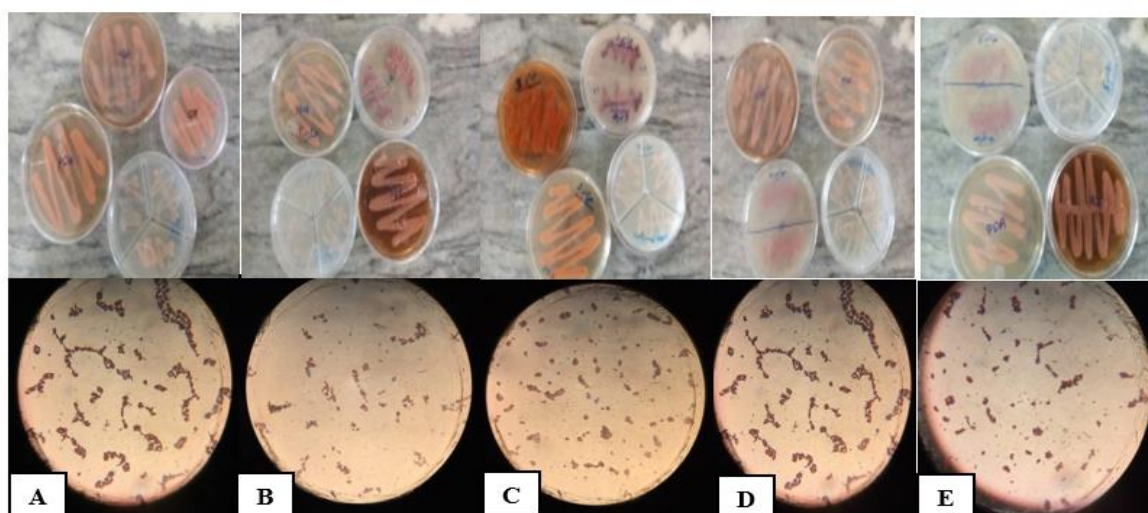
شناسایی میکروسکوپی و ماکروسکوپی

از بین ۲۶ نمونه برداشت شده در هر مرحله و کشت هر نمونه بر روی سه نوع محیط کشت، پنج جدایه مخمری جداسازی شد که نتایج میکروسکوپی و ماکروسکوپی آنها در شکل ۱ نشان داده شده است. تمام کلنی‌ها بر روی محیط

کروم آگار به رنگ صورتی دیده شد. بر روی این محیط کروموزن کلنی‌ها با طیف رنگی مختلف مشاهده می‌شوند. نتایج کلی تست‌های مورفولوژیک برای ۵ جدایه در جدول ۲ ذکر شده است.

آزمون تولید اسپورهای جنسی بر روی محیط V8 آگار

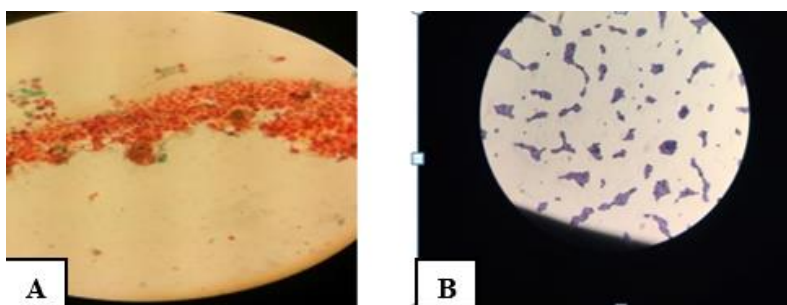
این آزمون برای تشخیص مخمر ساکارومایسس سرویزیه استفاده می‌شود. بر روی محیط کشت حاوی عصاره سبزیجات تنها مخمر ساکارومایسس سرویزیه تولید آسکواسپور می‌کند. پس از انجام آزمون، هر پنج جدایه آسکوسپور منفی بودند. نتایج در شکل ۲ قابل مشاهده است.



شکل ۱. مشاهده کلنی پنج ایزوله A تا E جداسازی شده. مشاهده مورفولوژی کلنی‌ها بر روی محیط‌های کشت اختصاصی کروم آگار کاندیدا، کورن میل آگار، پتیتودکستروز آگار و سابوردکستروز آگار در بالا و تصویر میکروسکوپی ایزوله‌ها در پایین.

جدول ۲. نتایج کلی تست‌های مورفولوژیک برای ۵ جدایه

جدایه‌ها	رنگ کلنی	شکل کلنی	حالت کلنی
جدایه ۱	صورتی-نارنجی	گرد-بیضی	صاف
جدایه ۲	صورتی-نارنجی	گرد-بیضی	صاف
جدایه ۳	صورتی-نارنجی	گرد-بیضی	صاف
جدایه ۴	صورتی-نارنجی	گرد-بیضی	صاف
جدایه ۵	صورتی-نارنجی	گرد-بیضی	صاف
رودوترولا گلوکونیس PTCC5256	صورتی-نارنجی	گرد-بیضی	صاف

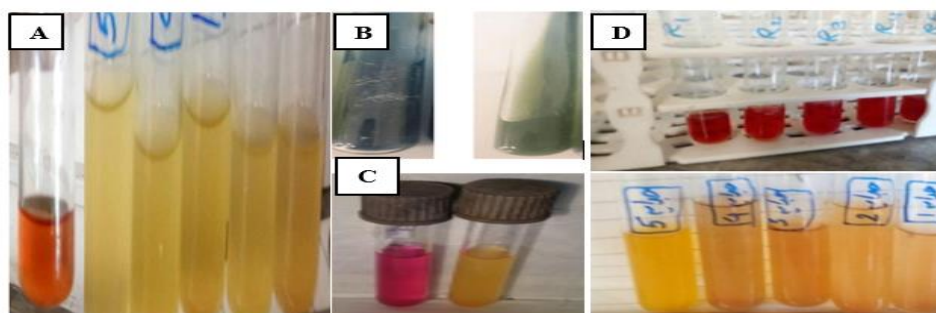


شکل ۲. نتایج تولید آسکوسپور. (A) تولید آسکوسپور؛ (B) عدم تولید آسکوسپور

آزمون‌های بیوشیمیایی جدایه‌های مخمری

آمونیاک محیط قلیایی شده و معرف از زرد به قرمز تغییر رنگ می‌دهد. هر پنج جدایه سیترات منفی بودند و توانسته بودند از سیترات به عنوان تنها عامل کربن دار در محیط‌است استفاده کنند و در نتیجه در مجاورت معرف رنگی بروموتیمول بلو به رنگ آبی در آیند. تمامی جدایه‌های مخمری نیترات منفی بودند و بدون تغییر رنگ باقی به رنگ زرد باقی ماندند. نتایج آنها در شکل ۳ و جدول ۳ بیان شده است.

آزمون‌های تخمیر قند، اوره‌آز، سیترات، احیای نیترات و آزمون تولید آسکوسپور برای پنج جدایه انجام شد. از بین جدایه‌ها ۵ جدایه قادر به تجزیه قندهای سوکروز، تrehaloz و گلوکز بودند و محیط از قرمز به زرد تغییر رنگ داشت. اما قندهای رافینوز و زایلوز بدون تغییر رنگ قرمز باقی ماند. همچنین، پنج جدایه اوره‌آز مثبت بودند که اوره موجود در محیط را تجزیه و به آمونیاک تبدیل کرده و در نتیجه تجمع



شکل ۳. نتایج آزمون‌های بیوشیمیایی جدایه‌های مخمری (A) (B) (C) (D)

جدایه	اوره	سیترات	اسکوسپور	نیترات	قند سوکروز	قند زایلوز	قند گلوکز	قند ترهالوز	قند رافینوز
۱	+	-	-	-	+	-	+	+	-
۲	+	-	-	-	+	-	+	+	-
۳	+	-	-	-	+	-	+	+	-
۴	+	-	-	-	+	-	+	+	-
۵	+	-	-	-	+	-	+	+	-
رودوترولا گلو تنیس PTCC5256	+	+	-	-	+	+	+	+	+

جدول ۳. مقایسه نتایج تست‌های بیوشیمیایی در ۵ جدایه مخمری

استخراج پیگمان

پس از استخراج رنگدانه‌ها به روش بیرانوند و همکاران (۱۳۹۸)، جذب نوری آنها در طول موج ۴۷۰ nm خوانده شد. وزن خشک آنها تعیین شد و با نمونه استاندارد مقایسه شد. نتایج این بخش از بررسی‌ها در جدول ۴ نشان داده شده است.

تعیین اثرات آنتی اکسیدانی

تعیین دی پی پی اچ

نتایج حاصل از محاسبه میزان فعالیت آنتی اکسیدان و محاسبه درصد خطا، نشان می‌دهد فعالیت آنتی اکسیدانی

رنگدانه جدا شده با افزایش غلظت رنگدانه‌ها، افزایش می‌یابد که به معنای فعالیت آنتی اکسیدانی بیشتر در غلظت ۴۰ PPM نسبت به غلظت ۵ PPM است. در حقیقت، فعالیت آنتی اکسیدانی رنگدانه جدا شده به صورت وابسته به دوز غلظت رنگدانه افزایش می‌یابد. نتایج پس از محاسبه میزان فعالیت آنتی اکسیدان رنگدانه در جدایه‌ها براساس دوز غلظت رنگدانه در جدول ۵ و درصد مهار رادیکال‌های دی پی پی اچ در جدول ۶ نشان داده شده است.

جدول ۴. مقادیر جذب نوری و ویومس رنگدانه‌های استخراج شده از جدایه‌ها

جدایه	وزن خشک	میزان جذب نوری	مقدار رنگدانه
جدایه ۱	0.548	1.690	41.628
جدایه ۲	0.526	1.480	36.016
جدایه ۳	0.567	0.614	15.472
جدایه ۴	0.005	0.934	24.120
جدایه ۵	0.561	1.390	39.028
رودوترولا گلو تینیس PTCC5256	0.578	1.856	47.731

جدول ۵. محاسبه میزان فعالیت آنتی اکسیدان رنگدانه در جدایه‌ها براساس دوز غلظت رنگدانه

میزان جذب نوری و فعالیت آنتی اکسیدانی						غلظت رنگدانه PPM
<i>Rhodotorula glutinis</i> PTCC5256	جدایه ۵	جدایه ۲	جدایه ۱			
98/25	29/5	2/7	05/5	1/4	92/10	5
22/57	93/9	36/14	37/9	88/10	18/16	10
18/65	34/16	27/19	71/15	29/19	14/23	20
63/43	41/27	43/22	26/20	12/28	60/33	40

جدول ۶. مقایسه درصد مهار رادیکال‌های DPPH در غلظت‌های متفاوت رنگدانه

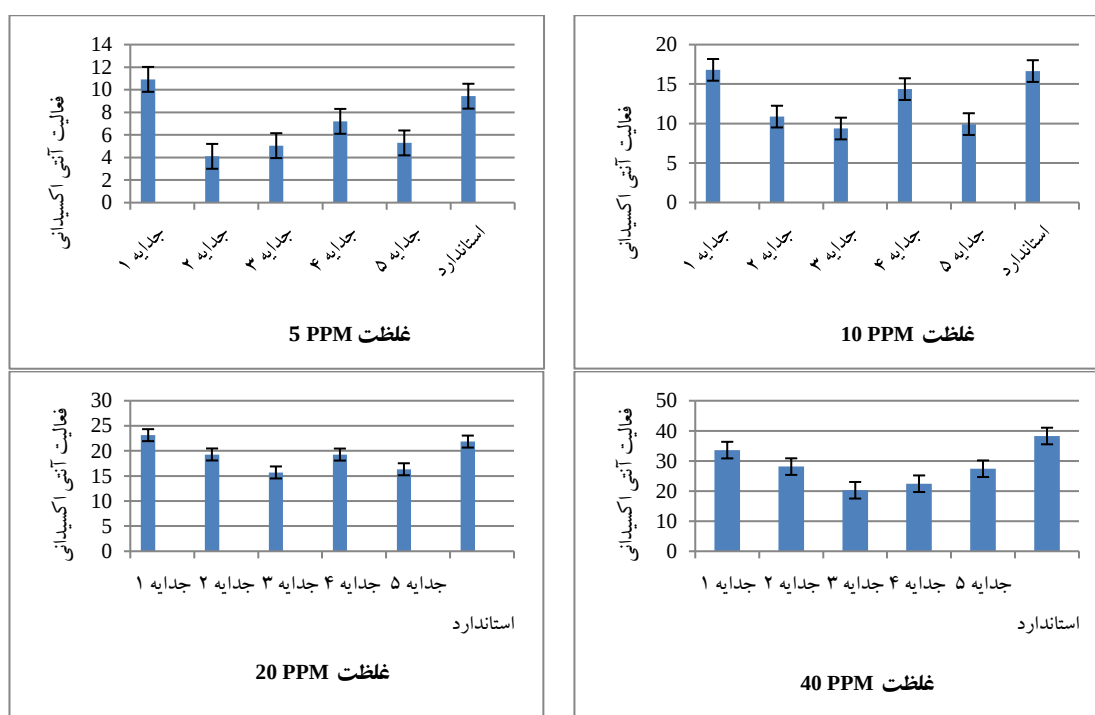
غلظت نمونه بر حسب PPM	5	10	20	40
رودوترولا گلو تینیس PTCC5256	325/2	631/2	237/2	431/2
جدایه ۱	150/2	253/2	461/2	867/2
جدایه ۲	105/2	212/2	418/2	835/2
جدایه ۳	051/2	102/2	228/2	491/2
جدایه ۴	493/2	895/2	387/3	690/3
جدایه ۵	233/2	451/2	863/2	863/3

سنجش فعالیت آنتی اکسیدانی می باشد مقایسه می شود. هرچه مقدار به دست آمده به نیمه حداکثر غلظت بازدارندگی ویتامین C نزدیکتر باشد، ماده مورد نظر فعالیت آنتی اکسیدانی قویتری خواهد داشت. نیمه حداکثر غلظت بازدارندگی رنگدانه منجر به مهار ۵۰ درصدی رادیکالی برای ۵ جدایه ایزوله در مقایسه با ویتامین C در شکل ۵ آورده شده است. همانگونه که مشاهده می شود، توانایی مهار رادیکال های آزاد توسط رنگدانه در غلظت های مختلف در مقایسه با ویتامین C کمتر است که قابل انتظار نیز می باشد.

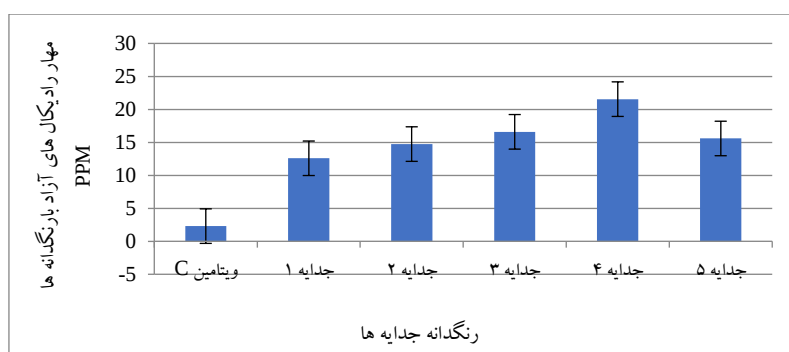
در شکل ۴ میزان فعالیت آنتی اکسیدانی ۵ جدایه همراه نمونه استاندارد در غلظت های ۵، ۱۰، ۲۰ و ۴۰ در مقایسه با نمونه استاندارد نشان داده شده است. بیشترین میزان فعالیت آنتی اکسیدانی مربوط به جدایه یک می باشد که فعالیت آنتی اکسیدانی آن به نمونه استاندارد بسیار نزدیک است.

تست نیمه حداکثر غلظت بازدارندگی

در این آزمون میزان نیمه حداکثر غلظت بازدارندگی تکرارهای مختلف آزمایش محاسبه شده است و با نیمه حداکثر غلظت بازدارندگی ویتامین C که به عنوان شاخص



شکل ۴. میزان فعالیت آنتی اکسیدانی ۵ جدایه و نمونه استاندارد در غلظت های ۵، ۱۰، ۲۰ و ۴۰ در مقایسه با نمونه استاندارد



شکل ۵. مهار رادیکال های آزاد مربوط به رنگدانه های استخراج شده از ۵ جدایه در مقایسه با ویتامین C

تست بررسی فعالیت آنتی اکسیدانی

پس از انجام مراحل تست ABTS، جذب نمونه‌ها در ۷۳۴ nm در زمان‌های ۲، ۴ و ۶، خوانده شد که نتایج در جدول ۷ بیان شد. بر طبق این نتایج جدایه ۱، ۲، ۴، ۵ و ۳ به ترتیب نسبت به نمونه استاندارد میزان فعالیت آنتی اکسیدانی بیشتری را نشان دادند. معنی‌داری تفاوت‌های بین تولید رنگدانه و خصوصیات آنتی اکسیدانی در جدایه ۵ تا ۱ در مقایسه با نمونه استاندارد با استفاده از آزمون آماری ANOVA انجام شد. با توجه به جدول ۸ که شاخص‌های پژوهش را به صورت آماری توصیف می‌کند، میانگین نمونه استاندارد (نمونه ۶) از سایر میانگین‌ها کمتر است و نمونه شماره ۴ میانگین بیشتری را نشان می‌دهد. برای بررسی معناداری آماری این تفاوت‌ها از روش آماری تحلیل واریانس ANOVA استفاده شد. طبق این روش، میانگین نمونه‌ها با ۹۹٪ با یکدیگر تفاوت دارند که در جدول ۹ قابل مشاهده است.

جدول ۷. بررسی فعالیت آنتی اکسیدانی جدایه‌های مختلف در دقایق ۲، ۴ و ۶ نسبت به نمونه استاندارد

زمان بر حسب min	2	4	6
جدایه ۱	6/18	61/19	73/20
جدایه ۲	13/21	70/22	45/23
جدایه ۳	73/28	28/29	19/30
جدایه ۴	37/30	15/31	05/32
جدایه ۵	17/22	93/22	39/23
رودوترولا گلو تینیس PTCC5256	25/16	90/16	48/17

جدول ۸. آمار توصیفی شاخص‌های پژوهش

فاصله ۹۵٪ اطمینان				
شماره نمونه	میانگین	انحراف استاندارد	حد بالا	حد پایین
1	65/19	07/1	29/22	29/22
2	43/22	83/1	37/25	37/25
3	40/29	737/0	31/23	23/31
4	34/31	08/1	02/34	02/34
5	83/22	616/0	36/24	36/24
6	88/16	615/0	41/18	41/18

جدول ۹. تجزیه و تحلیل واریانس برای بررسی تفاوت میانگین گروه‌ها

منبع واریانس	مجموع مجدورات	درجه آزادی	میانگین مجدورات	مقدار F	سطح معناداری
الگوی اصلاح شده	625/468	5	725/93	468/112	001/0
عرض از مبدأ	10	12	833/0		
پیش‌آزمون متغیر	625/478	17			

از آزمون مقایسه زوجی Tukey برای بررسی تفاوت معنادار بین نمونه‌ها استفاده شد. با توجه به جدول ۱۰ اختلاف تولید رنگدانه و خصوصیات آنتی‌اکسیدانی رنگدانه جدایه ۱ با ۹۵٪ اطمینان ($P=0/027$) نسبت به نمونه استاندارد (نمونه ۶) اختلاف معنی‌داری دارد که نشانگر افزایش میزان تولید رنگدانه در جدایه ۱ است. بنابراین، تفاسیر جدایه ۱ و پس از آن به ترتیب نمونه جدایه ۲ سپس جدایه ۵، جدایه ۴ و جدایه ۳ به عنوان بیشترین میزان فعالیت آنتی‌اکسیدانی هستند.

همچنین، با توجه به جدول ۱۱ برای مقایسه اختلاف بین دقایق که شاخص‌های پژوهش را به صورت آماری توصیف می‌کند و برای بررسی معناداری آماری این اختلاف دقایق از روش آنالیز آماری واریانس یک طرفه در جدول ۱۱ استفاده شد. از آزمون مقایسه زوجی توکی برای بررسی تفاوت معنادار بین دقایق استفاده شد. با توجه به جدول ۱۲ و ۱۳ دقیقه ۲ با ۴ و ۶ دقیقه ۴ با ۲ و ۶، دقیقه ۴ با ۲ و ۶ مقایسه شد که نتایج تفاوت معنی‌داری بین دقایق نشان نمی‌دهد.

جدول ۱۰: آزمون توکی برای مقایسه زوجی بین میانگین‌های نمونه‌های پژوهش

تفاوت میانگین‌ها	خطای استاندارد	معناداری	حد بالا	حد پایین
نمونه ۱	77/2-	745/0	027/0	266/0-
نمونه ۲	55/5-	745/0	001/0	05/3-
نمونه ۳	52/12-	745/0	001/0	02/10-
نمونه ۴	46/14-	745/0	001/0	96/11-
نمونه ۵	95/5-	745/0	001/0	45/3-

جدول ۱۱. آمار توصیفی شاخص‌های پژوهش

فاصله ۹۵٪ اطمینان				
دقیقه	میانگین	انحراف استاندارد	حد بالا	حد پایین
2:00	22/8750	5/58864	17/0101	28/7399
4:00	23/7617	5/49867	17/9912	29/5322
6:00	24/6233	5/69408	18/6478	30/5989
کل	23/7533	5/30607	21/1147	26/3920

جدول ۱۲. تجزیه و تحلیل واریانس برای بررسی تفاوت بین دقایق

منبع واریانس	مجموع مجزورات	درجه آزادی	میانگین مجزورات	مقدار F	سطح معناداری
الگوی اصلاح شده	9/171	2	4/585	0/147	0/865
عرض از مبدأ	469/454	15	31/297		
پیش‌آزمون متغیر	478/625	17			

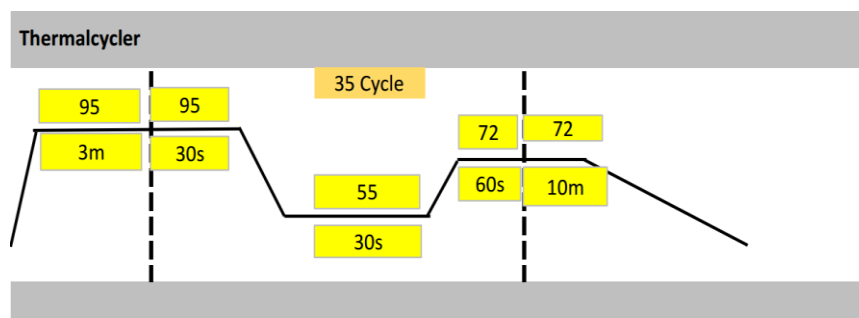
جدول ۱۳. آزمون توکی برای مقایسه بین دقیقه ۲ با دقیقه ۴ و ۶، دقیقه ۴ با دقیقه ۶ و ۲، دقیقه ۶ با دقیقه ۲ و ۴

دقیقه	تفاوت میانگین‌ها	خطای استاندارد	معناداری	حد بالا	حد پایین
2/00 4/00 6/00	-0/88667 -1/74833	3/22991 3/22991	0/959 0/852	-9/2763 -10/1379	7/5029 6/6413
4/00 2/00 6/00	0/88667 -0/86167	3/22991 3/22991	0/959 0/962	-7/5029 -9/2513	9/2763 7/5279
6/00 2/00 6/00	1/74833 0/86167	3/22991 3/22991	0/852 0/962	-6/6413 -7/5279	10/1379 9/2513

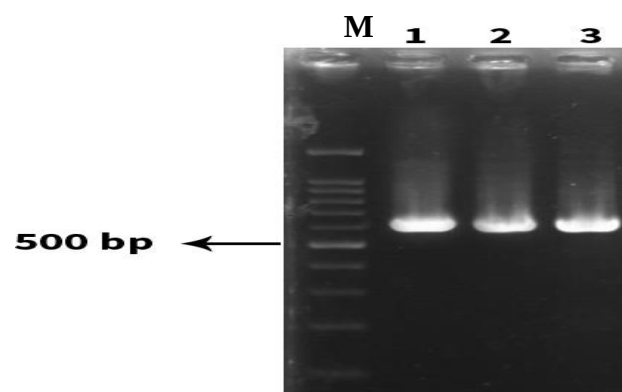
تشخیص ژنتیکی

با توجه به نتایج به دست آمده از مراحل قبل، بیشترین میزان تولید میزان فعالیت آنتی اکسیدانی در مقایسه با نمونه استاندارد به ترتیب مربوط به جدایه ۲، ۱ و ۵ می باشد. از میان این ۵ جدایه، ۳ جدایه‌ای که بیشترین میزان فعالیت آنتی اکسیدان را نشان دادند برای انجام مراحل ژنتیکی

انتخاب شدند. واکنش زنجیره‌ای پلیمرز بر اساس شکل ۶ مراحل انجام شد و سپس الکتروفورز انجام شد. قطعات تکثیر شده توسط الکتروفورز بر روی ژل آگارز ۲٪ در بافر تریس بورات ۰/۵٪ و رنگ آمیزی ایتدیوم بروماید مرئی شد. نشانگر با وزن مولکولی ۱۰۰۰ bp استفاده شد که در شکل ۷ قابل مشاهده است.



شکل ۶. مراحل انجام PCR



شکل ۷. نتایج الکتروفورز. (M): مارکر 1000 bp DNA Ladder.

(۱): جدایه ۱، (۲): جدایه ۲، (۳): جدایه ۳ که در محدوده ۵۰۰ bp قرار گرفته است

امتیاز هم ردیفی در بالای آن آمده است. هر چه جور شدگی توالی یافت شده با توالی در حال جستجو بیشتر باشد با رنگ قرمز مشخص می شود و هر چه این جور شدگی کمتر باشد با رنگ های رو به مشکی نمایش داده می شود.

نتایج بلاست نمونه ها در شکل ۸ و ۹ و ۱۰ مشاهده می شود. خطوط رنگی در شکل نشانگر توالی بلاست شده در سایت NCBI هستند. هر توالی بر اساس میزان شباهت خود دارای یک طیف رنگی است. کلید رمز رنگ ها بر اساس



شکل ۸. نتایج بلاست که بیشترین جور شدن توالی یافت شده با توالی در حال جستجو را با رنگ قرمز نمایش داده شده است.

Description	Max score	Total score	Query cover	E value	Accession
Rhododolus sp. EY12114 genes for ITS1, 5.8S rRNA, ITS2, 28S rRNA, partial and complete sequence, isolate EY12114-2-33	1053	1230	98%	0.0	LC229718.1
Rhododolus sp. EY12114 genes for ITS1, 5.8S rRNA, ITS2, 28S rRNA, partial and complete sequence, isolate EY12114-2-36	1053	1228	98%	0.0	LC229721.1
Rhododolus sp. EY12114 genes for ITS1, 5.8S rRNA, ITS2, 28S rRNA, partial and complete sequence, isolate EY12114-2-39	1048	1213	98%	0.0	LC229718.3
Rhododolus sp. EY12114 genes for ITS1, 5.8S rRNA, ITS2, 28S rRNA, partial and complete sequence, isolate EY12114-2-33	1044	1204	97%	0.0	LC229714.1
Sporobolomyces sp. AY0484 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1044	1187	99%	0.0	K2918600.1
Rhododolus sp. EY12114 genes for ITS1, 5.8S rRNA, ITS2, 28S rRNA, partial and complete sequence, isolate EY12114-2-38	1042	1143	98%	0.0	LC229717.1
Rhododolus muscigenus isolate CMA Y14 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1068	1068	98%	0.0	K2948902.1
Rhododolus muscigenus strain AUMC13584 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1059	1059	97%	0.0	K0331100.1
Rhododolus muscigenus culture CBS 6727 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1057	1057	98%	0.0	KY104848.1
Rhododolus muscigenus strain AUMC13587 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1057	1057	97%	0.0	K8498827.1
Rhododolus muscigenus strain Y9-1.18S ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1053	1053	98%	0.0	KF681193.1
Rhododolus muscigenus strain YD8.18S ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1053	1053	98%	0.0	KF681195.1
Rhododolus muscigenus strain AUMC10725.18S ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1053	1053	98%	0.0	KX378274.1
Rhododolus muscigenus strain KDC YC24-1 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence, and internal transcribed spacer 2, partial sequence	1051	1051	98%	0.0	K8080902.1
Rhododolus muscigenus isolate K32.18S ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1051	1051	98%	0.0	K3546206.1
Rhododolus muscigenus strain ASUT internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1051	1051	97%	0.0	K960512.1
Rhododolus muscigenus strain AUMC13585 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1051	1051	97%	0.0	K8498828.1
Rhododolus sp. EY12114 genes for ITS1, 5.8S rRNA, ITS2, 28S rRNA, partial and complete sequence, isolate EY12114-2-34	1050	1050	98%	0.0	LC229715.1
Rhododolus muscigenus strain Y17497.18S ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KF444618.1
Rhododolus muscigenus strain CBS 1100.18S ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KF154512.1
Rhododolus muscigenus strain SN27.18S ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KF151192.1
Rhododolus muscigenus genomic DNA containing 18S rRNA gene, ITS1, 5.8S rRNA gene, ITS2, 28S rRNA gene, isolate Kuc215	1048	1048	98%	0.0	K8690147.1
Uncultured fungus isolate FCJ08.07S internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	JX174807.1
Uncultured fungus isolate FCJ08.18S ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	JX174836.1
Rhododolus muscigenus strain KML V110-1.18S ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	JX174836.1
Rhododolus muscigenus strain FM608.1718S isolate D94M-17S. 18S ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KJ174312.1
Rhododolus muscigenus culture CBS 2388 small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KY104792.1
Rhododolus muscigenus culture CBS 12021 small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KY104803.1
Rhododolus muscigenus culture CBS 2384 small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KY104820.1
Rhododolus muscigenus culture CBS 2378 small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KY104868.1
Rhododolus muscigenus strain IF10W-F2 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KY118665.1
Rhododolus muscigenus strain IF45W-F2 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KY118672.1
Rhododolus muscigenus strain IF45W-F2 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KY118675.1
Rhododolus muscigenus strain IF50W-F1 internal transcribed spacer 1, partial sequence, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence, and large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence	1048	1048	98%	0.0	KY118676.1

شکل ۹. فهرست شماره دسترسی و نام توالی های به دست آمده

نوشته شده است که اولین عدد امتیاز هم ردیفی دو گانه توالی یافت شده و توالی در حال جستجو است که اطلاعات بعدی

در شکل ۹ شماره دسترسی^۱ و نام^۲ توالی های به دست آمده فهرست شده اند. در این شکل، روبروی هر توالی دو عدد

² Description

¹ Accession

می‌دهد، شماره ۴ درصدی از توالی‌های هم‌پوشان را نشان می‌دهد. این نتایج بیشترین شباهت را با گونه رودوترولا نشان می‌دهد.

بر اساس آنها مرتب می‌شوند. دومین شاخص مورد می‌باشد که برای قابل قبول بودن توالی یافت شده باید این عدد کمتر از ۰/۰۱ باشد، در غیر این صورت جفت شدن توالی‌ها تصادفی است. شکل ۱۰ میزان شباهت^۱ دو توالی را نشان

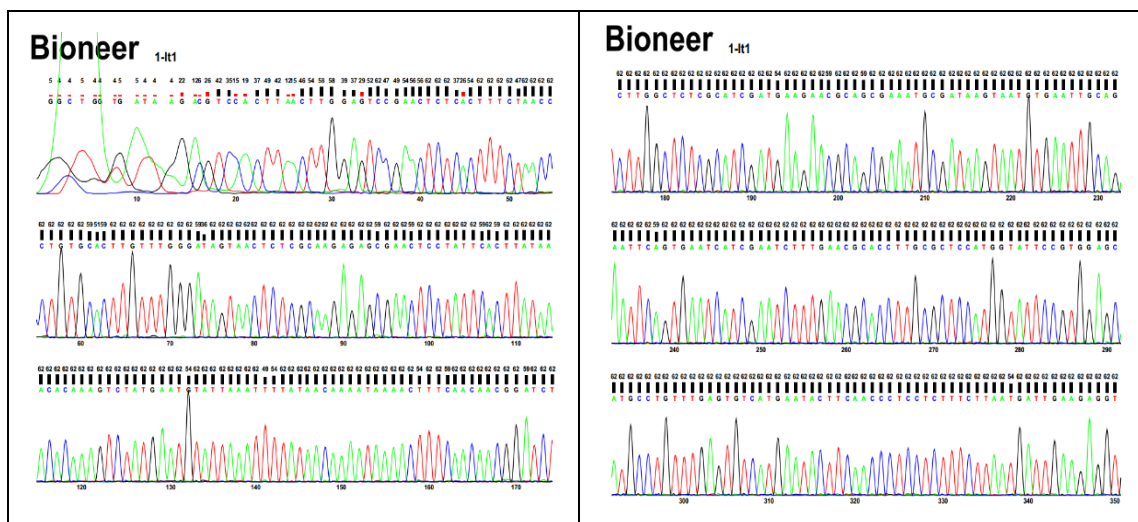
Score 1068 bits(578)	Expect 0.0	Identities 580/581(99%)	Gaps 0/581(0%)	Strand Plus/Plus
Query 10	ATAAGACGTCCACTTAACCTGGAGTCCGAACTCTCACTTTCTAACCTGTGCACCTTGT	69		
Sbjct 1	ATAGGACGTCCACTTAACCTGGAGTCCGAACTCTCACTTTCTAACCTGTGCACCTTGT	60		
Query 70	GGGATAGTAACCTCTCGCAAGAGAGCGAACTCCTATTCACTTATAAACACAAAGTCTATGA	129		
Sbjct 61	GGGATAGTAACCTCTCGCAAGAGAGCGAACTCCTATTCACTTATAAACACAAAGTCTATGA	120		
Query 130	ATGTATTAAATTTTATAACAAAATAAACTTTCAACAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATC	189		
Sbjct 121	ATGTATTAAATTTTATAACAAAATAAACTTTCAACAACGGATCTCTTGGCTCTCGCATC	180		
Query 190	GATGAAGAACCGACGGAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAAATTCAGTGAATCATCG	249		
Sbjct 181	GATGAAGAACCGACGGAATGCGATAAGTAATGTGAATTGCAGAAATTCAGTGAATCATCG	240		
Query 250	AATCTTTGAACGCACCTTGCCTCCATGGTATTCCGTGGAGCATGCCCTGTTGAGTGTC	309		
Sbjct 241	AATCTTTGAACGCACCTTGCCTCCATGGTATTCCGTGGAGCATGCCCTGTTGAGTGTC	300		
Query 310	TGAATACTTCAACCTCTCTTTCTTAATGATTGAAGAGGTGTTGGTTTCTGAGCGCTG	369		
Sbjct 301	TGAATACTTCAACCTCTCTTTCTTAATGATTGAAGAGGTGTTGGTTTCTGAGCGCTG	360		
Query 370	CTGGCTTTACGGTCTAGCTCGTTCTGAATGCATTAGCATCCGCAATCGAACTTCGGATT	429		
Sbjct 361	CTGGCTTTACGGTCTAGCTCGTTCTGAATGCATTAGCATCCGCAATCGAACTTCGGATT	420		
Query 430	GACTTGGCGTAATAGACTATTCTGCTGAGGAATTTCTAGTCTTCGGACTAGAGCCGGGTGG	489		
Sbjct 421	GACTTGGCGTAATAGACTATTCTGCTGAGGAATTTCTAGTCTTCGGACTAGAGCCGGGTGG	480		
Query 490	GTTAAAGGAAGCTTCTAATCAGAATGTCATACATTTAAGATTAGATCTCAAATCAGGTAG	549		
Sbjct 481	GTTAAAGGAAGCTTCTAATCAGAATGTCATACATTTAAGATTAGATCTCAAATCAGGTAG	540		
Query 550	GACTACCCGCTGAACCTAAGCATATCAAAAGCCGGGAGGAA	590		
Sbjct 541	GACTACCCGCTGAACCTAAGCATATCAAAAGCCGGGAGGAA	581		

شکل ۱۰. جفت شدن دو توالی query و subject.

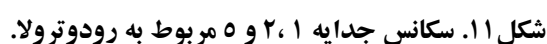
*تمام توالی‌های با طول مناسب (هر چه توالی بلندتر، مطلوب‌تر) می‌توانند کاندیدهای مناسبی برای رودوترولا باشند.

DNA مورد نظر هستند. سکانس جدایه‌های هدف ۲ و ۱ و ۵ که با سکانس پرایمرها مکمل است در شکل ۱۱ مشاهده می‌شود.

پرایمرها قطعات کوچک پلی نوکلئوتیدی هستند و در آزمایشگاه به گونه‌ای طراحی و سنتز شده‌اند که دارای سکانس نوکلئوتیدی مکمل با ناحیه^۳ در یکی از رشته‌های



¹ Ident



Phylogenetic tree showing relationships between *Rhodotorula* species and other yeasts. The tree is rooted on the left and branches to the right. Bootstrap values are indicated at the nodes: 100 for the *Rhodotorula* clade, 67 for the node between *Rhodotorula* and *Candida*, 100 for the node between *Candida* and *Saccharomyces*, 77 for the node between *Saccharomyces* and *Pichia*, and 100 for the node between *Pichia* and *Lachancea*. The taxa are: *Rhodotorula* sp.EY12114 (LC229721.1) (sample 1), *Rhodotorula mucilaginosa* isolate OMA Y14 (KR264902.1) (sample 2), *Rhodotorula mucilaginosa* isolate 2 ITS1 (MG020687.1) (sample 3), *Vanderwaltozyma polyspora* (NW 001834527.1), *Candida dubliniensis* (NC 012867.1), *Saccharomyces cerevisiae* (NC 001144.5), *Lachancea lanzarotensis* (NW 019212883.1), and *Pichia kudriavzevii* (NW 018150553.1).

شکل ۱۲. درخت فیلوژنی-روابط تکاملی در میان گونه‌های مختلف با جدایه مورد نظر بر اساس شباهت‌ها و تفاوت‌های فیلوژنتیکی

ردوتورولا نشان داده شده است که میزان قرابت نمونه او ۲ و ۵ با ردوتورولا ۱۰۰٪ بوده است. دو نمونه با تشابه ۱۰۰٪ با گونه ردوتورولا موسیلاثرینوزا^۱ و یک نمونه در حد جنس شناسایی شده است.

بحث و نتیجه گیری

قارچ‌ها موجوداتی یوکاریوت، اغلب هوازی و منتشر در سراسر دنیا می‌باشند و برای گسترده فعالیت اکولوژیک، جزء مهمترین میکروارگانیسم‌های یوکاریوتی محسوب

درخت فیلوژنی یک نمودار انشعابی است و روابط تکاملی در میان گونه‌های مختلف زیستی را بر اساس شباهت‌ها و تفاوت‌های فیلوژنتیکی نشان می‌دهد. واحدهای متصل به یکدیگر در درخت، از یک جد مشترک جدا شده‌اند. در یک درخت تکامل نژادی ریشه‌دار، هر گروه نشان دهنده جد مشترکی برای فرزندان آن گروه می‌باشد، و طول یال‌ها در برخی از درختان نشان دهنده تخمین زمان است. در شکل ۱۲ میزان شباهت هر ۳ نمونه به جنس

¹ *Rhodotorula mucilaginosa*

میشوند (۲۲). امروزه مخمرها با تغییرات بهینه در طعم، عطر و مزه مواد غذایی تحت فرایند تخمیر و بازده اقتصادی مناسب در تولید محصولات بیوتکنولوژی از سایر میکروارگانیسم‌های صنعتی پیشی گرفته‌اند (۵). از جمله دلایل اهمیت مخمرها در تولید این محصولات می‌توان به نگهداری و کشت آسان و غیر ویسکوز، نیازهای محیطی و غذای ساده، تراکم سلولی بالا در محیط تولید با هزینه کم، قابلیت انجام فرایندهای پس از ترجمه، فقدان اندوتوکسین دیواره و ماده ژنتیکی ویروس اشاره کرد (۴). از جمله محصولات بیوتکنولوژی تولیدی توسط مخمرها می‌توان به یو اتانول، الکل‌های پلی هیدرولیک، پروتئین‌های تک سلولی، لیپیدها، کارتنوئیدها، ترکیبات طعم‌دار، ویتامین‌ها، اسیدهای آلی، پلی ساکاریدهای خارج سلولی، محصولات فراسودمند پروبیوتیک و پری‌بیوتیک و آنزیم‌های صنعتی اشاره کرد (۲۳). در سال‌های اخیر مطالعات گسترده‌ای روی مخمرهای جدا شده از محیط‌های مختلف انجام شده است، که بیشتر این مطالعات بر روی مخمرهای جدا شده از مواد غذایی بوده است. در بیشتر موارد هدف، بهبود کیفیت ترکیبات غذایی از جمله افزایش خواص، ماندگاری، ویژگی آنتی اکسیدانی و اثرات ضدسرطانی می‌باشد (۲۳ و ۲۴). از جمله مطالعات انجام شده بر روی مخمرهای غذایی می‌توان به بررسی جمعیت میکروبی و پتانسیل مخمرهای جدا شده از پنیرهای صنعتی در جنوب اشاره کرد (۲۵). اگرچه، بررسی گونه‌های محیطی می‌تواند علاوه بر حفظ ذخایر میکروبی به غربالگری جدایه‌های بومی با توانایی تولید انواع متابولیت‌های مختلف و جدید، نه در غذا بلکه برای کاربرد در صنایع مختلف منجر شود، اما مطالعات کمتری بر روی این گونه‌ها انجام شده است. گونه‌های محیطی نسبت به گونه‌های غذایی و گونه‌های دارای منشا حیوانی و انسانی تنوع و توانایی‌های بیشتری دارند، زیرا بر همکنش‌ها و شرایط محیطی به مراتب پیچیده‌تر، سخت‌تر و ضعیف‌تر از محیط تقریباً تعریف شده غذا و بدن می‌باشد (۲۶).

¹ *Rhodotorula slooffiae*

(۲۰۲۰) در مطالعه‌ای نشان دادند که ردوترولا موسیلاژینوزا دارای بالاترین پتانسیل تولید کاروتنوئید در میان گونه‌های مورد استفاده در این مطالعات است، که با نتایج حاصل از این پژوهش همخوانی دارد. گزارش شده است که ردوترولا موسیلاژینوزا یکی از امیدوار کننده‌ترین میکروارگانیسم‌ها برای تولید تجاری کاروتنوئیدها خواهد بود (۳۷).

Monishdeep و همکاران (۲۰۲۲) پژوهشی را بر روی رنگدانه‌های میکروبی به عنوان منابع رنگ طبیعی انجام دادند. در این بررسی، منابع مختلفی از رنگدانه‌های میکروبی ارائه شده و خواص بیولوژیکی و بالینی آنها مانند آنتی‌بیوتیک، آنتی‌اکسیدان، ضد سرطان و ضد التهاب بررسی شد. این مطالعه همچنین بر پارامترهای کلیدی برای بهبود زیست سازگاری و تولید رنگدانه‌های میکروبی برای استفاده تجاری آنها در زمینه‌های دارویی و پزشکی تاکید دارد که مشابه پژوهش حاضر نیز بود (۳۸).

Narsing و همکاران (۲۰۱۷) با برنامه‌های گسترده به بررسی انواع مختلف رنگدانه‌های قارچی و باکتریایی به عنوان متابولیت‌های ثانویه پرداختند که در مقایسه با سایر رنگ‌ها، دارای مزایای فراوانی از جمله رشد سریع، پردازش آسان و استقلال شرایط آب و هوایی می‌باشند که متفاوت از پژوهش حاضر بود. اما در رابطه با رنگدانه‌های باکتریایی و قارچی که دارای خواص بیولوژیکی زیادی مانند فعالیت آنتی‌اکسیدان، ضد میکروبی و ضد سرطانی هستند مشابه پژوهش حاضر بود (۳۹). در این پژوهش از پساب کارخانجات فراورده‌های گوشتی، مرباجات و کنسرو سازی نمونه برداری شد. سپس، ۵ جدایه مخمری جداسازی شد و براساس نتایج مورفولوژی و بیوشیمیایی شناسایی اولیه انجام شد و بر اساس نتایج به دست آمده، بیشترین میزان فعالیت آنتی‌اکسیدانی مربوط به جدایه ۱، ۲ و ۵ بود و بر اساس نتایج ژنتیکی بیشترین فعالیت مربوط به سه جدایه بود.

جدایه ۱ مربوط به *Rhodotorula sp.EY12114*
جدایه ۲ (LC229721.1) *Rhodotorula* مربوط به
mucilaginosa isolate OMA Y14 (KR2649021) و جدایه
۵ مربوط به *Rhodotorula mucilaginosa isolate ITS1*

MG0206871) شناسایی شد که گونه اول بیشترین میزان رنگدانه را تولید کرد..

تولید رنگدانه از یک سویه بومی با توجه به ارزان بودن، در دسترس بودن و بومی بودن سویه می‌تواند در صنایع غذایی بسیار با اهمیت باشد. با توجه به سازگاری سویه‌های بومی با شرایط نگهداری و آب‌وهوایی یک کشور و پایداری بیشتر، ارائه و معرفی یه سویه بومی به صنایع مختلف از اهمیت زیادی برخوردار است. مخمرها در جنس رودوترولا سنتز رنگدانه کاروتنوئید را انجام می‌دهند. ترکیبات اصلی تولید شده توسط این مخمر تورولن و تورالارودین می‌باشد. (۳۲)

این رنگدانه قابلیت کاربرد در صنایع غذایی، آرایشی، منسوجات و سایر صنایع را دارد. برطبق مطالعات محققان غلظت مناسبی از رنگدانه‌های مخمری می‌توانند بدون عوارض جانبی بر روی دستگاه گوارش انسان به عنوان آنتی‌اکسیدان و نگهدارنده طبیعی مواد غذایی استفاده شوند. همچنین، این رنگدانه می‌تواند جایگزین مناسبی برای رنگ‌های مصنوعی کاربردی مواد غذایی باشد و به بهبود کیفیت مزه برخی از ترکیبات گوشتی نیز کمک کند (۳۳).

از سویی جداسازی مخمرها از پساب کارخانجات مواد غذایی، می‌تواند سبب کاربردی شدن پساب‌های بدون استفاده و آلوده کننده محیط زیست باشد. کاربرد این مخمرها در صنعت تولید ترکیبات آنتی‌اکسیدان، تولید پروتئین‌های تک یاخته، تصفیه محیط و غیره می‌تواند، در پیشرفت صنایع مختلف از جمله صنایع غذایی، زیست پالایی و تولید مکمل‌های غذایی دام و طیور بسیار مفید باشد و مفهومی واقعی از بیوتکنولوژی ارائه کند. برای مصرف این رنگدانه‌های زیست سازگار با منشاء میکروبی، سنجش سمیت رنگدانه ضروری است. همچنین، مشخص کردن ژن تولید رنگدانه و تاثیر عوامل محیطی بر روی بیان ژن و دستکاری ژنتیکی رودوترولا جدا شده برای بهینه سازی تولید رنگدانه بیشتر مورد نیاز در تولید فراورده‌های صنعتی می‌باشد.

تشکر و قدر دانی

in torularhodin-producing *Rhodotorula glutinis*. *Annals of Microbiology*. 2017. **67**(8): p. 541-51.

10. Sevgili A, Erkmen O. Improved lycopene production from different substrates by mated fermentation of *Blakeslea trispora*. *Foods*. 2019. **8**(4): p. 120.

11. Mata-Gómez LC, Montañez JC, Méndez-Zavala A, Aguilar CN. Biotechnological production of carotenoids by yeasts: an overview. *Microbial cell factories*. 2014. **13**(1): p. 1-1.

12. Sartaj K, Patel A, Gunjyal N, Prasad R. Photo-induced biomitigation of sewage wastewater by new isolate of *Rhodotorula glutinis* ISO A1–lipid augmentation and profiling. *Renewable Energy*. 2022. **1**(195): p.742-54.

13. Khodaiyan, F., S.H. Razavi, and S.M.J.B.E.J. Mousavi, Optimization of canthaxanthin production by *Dietzia natronolimnaea* HS-1 from cheese whey using statistical experimental methods. 2008. **40**(3): p. 415-422.

14. Lopes, S.C., et al., Violacein extracted from *Chromobacterium violaceum* inhibits *Plasmodium* growth in vitro and in vivo. 2009. **53**(5): p. 2149-2152.

15. Diraviyam, T., M. Radhakrishnan, and R.J.D.I.T. Balagurunathan, Antioxidant activity of melanin pigment from *Streptomyces* species D5 isolated from Desert soil, Rajasthan, India. 2011. **3**(3): p. 12-13.

16. Sesso, H.D., et al., Plasma lycopene, other carotenoids, and retinol and the risk of cardiovascular disease in women. 2004. **79**(1): p. 47-53.

17. Gulcin İ. Antioxidants and antioxidant methods: An updated overview. *Archives of toxicology*. 2020. **94**(3): p. 651-715.

18. Mohaddeseh L. *Mycology, Theoretical and practical*, First Edition, Islamic Azad University Tehran North Branch; 2021. 378 p.

19. Noviendri, D., R.F. Hasrini, and F.J.J.o.M.P.R. Octavianti, Carotenoids: Sources, medicinal properties and their application in food and nutraceutical industry. 2011. **5**(33): p. 7119-7131.

20. Srinivasan, M., et al., Lycopene: an antioxidant and radioprotector against γ -radiation-induced cellular damages in cultured human lymphocytes. 2009. **262**(1): p. 43-49.

21. Singh P, Sharma A, Bordoloi M, Nandi SP. Molecular identification of endophytic fungi isolated from medicinal plant. *Biointerface Research in Applied Chemistry*. 2020.**10**: p. 6436-43.

نویسندگان از کادر آزمایشگاهی دانشگاه آزاد اسلامی واحد

تهران شمال کمال تشکر را دارند.

تضاد منافع

هیچ گونه تضاد منافی در این پژوهش وجود ندارد.

میزان مشارکت

ایده و پروتکل اصلی، آنالیز داده‌ها و مطالعه مفهوم و طراحی

نوشتن مقاله و بازنگری نسخه چاپ نشده توسط محدثه

لاری‌پور انجام شد و اجرای پروژه و ارائه داده‌ها با همراهی

مینا شکری انجام شد.

منابع

1. Chen, Y.-S., F. Yanagida, and L.-Y. Chen, Isolation of marine yeasts from coastal waters of northeastern Taiwan. *Aquatic Biology*, 2009. **8**(1): p. 55-60.

2. Brandão, L.R., et al., Yeasts from an oligotrophic lake in Patagonia (Argentina): diversity, distribution and synthesis of photoprotective compounds and extracellular enzymes. *FEMS microbiology ecology*, 2011. **76**(1): p. 1-13.

3. Tamang, J.P. and G.H. Fleet, Yeasts diversity in fermented foods and beverages, in *Yeast Biotechnology: Diversity and Applications*. 2009. Springer. p. 169-198.

4. Beiranvand, S., Larypoor, M., & Norozi, J. Optimization of beta-carotene production of *Rhodotorula mucilaginosa* isolated from the waste leather factory. *Journal of Microbial World*, 2019.**12**(1), 39-52.

5. Hesham, A.E.-L., et al., Biodegradation of high molecular weight PAHs using isolated yeast mixtures: application of meta-genomic methods for community structure analyses. 2012. **19**(8): p. 3568-3578.

6. Michelson, M., et al., Extraction of carotenoids from *Phaffia rhodozyma*: A comparison between different techniques of cell disruption. 2012. **21**(1): p. 1-8.

7. Pavlova, K.I., Production of polymers and other compounds of industrial importance by cold-adapted yeasts, in *Cold-adapted Yeasts*. 2014. p. 397-415.

8. García-Chavarría, M., M.J.R.J.o.F. Lara-Flores, and Hydrobiology, The use of carotenoid in aquaculture. 2013. **8**(2): p. 38-49.

9. Tkáčová J, Čaplová J, Klempová T, Čertík M. Correlation between lipid and carotenoid synthesis

31. Hagler AN. Yeasts as indicators of environmental quality. In biodiversity and ecophysiology of yeasts 2006. p. 515-532. Berlin, Heidelberg: Springer Berlin Heidelberg.
32. Mata-Gómez, L.C., et al., Biotechnological production of carotenoids by yeasts: an overview. 2014. **13**(1): p. 12.
33. Varela, J.C., et al., Production of carotenoids by microalgae: achievements and challenges. 2015. **125**(3): p. 423-436.
34. Aksu, Z. and A.T.J.P.B. Eren, Carotenoids production by the yeast *Rhodotorula mucilaginosa*: use of agricultural wastes as a carbon source. 2005. **40**(9): p. 2985-2991.
35. Tuli, H.S., et al., Microbial pigments as natural color sources: current trends and future perspectives. 2015. **52**(8): p. 4669-4678.
36. Rao, N., et al., Fungal and bacterial pigments: Secondary metabolites with wide applications. 2017. **8**: p. 1113.
37. Lin L, Xu J. Production of fungal pigments: Molecular processes and their applications. *Journal of Fungi*. 2022. **28**:**9**(1): p.44.
38. Monishdeep, V., Deshpande, H. W., Poshadri, A., & Kumar, B. V. P. A review on potential microbial sourced bio-colours from fungi. *Pharma Innov. J*, 2022. **11**: p. 3200-3205.
39. Narsing Rao, M. P., Xiao, M., & Li, W. J. Fungal and bacterial pigments: secondary metabolites with wide applications. *Frontiers in microbiology*, 2017. **8**: p.1113.
22. Pizot, C., et al., Physical activity, hormone replacement therapy and breast cancer risk: A meta-analysis of prospective studies. 2016. **52**: p. 138-154.
23. Kot, A.M., et al., Effect of initial pH of medium with potato wastewater and glycerol on protein, lipid and carotenoid biosynthesis by *Rhodotorula glutinis*. 2017. **27**: p. 25-31.
24. Yolmeh, M., M.J.B. Khomeiri, and a. biotechnology, Effect of mutagenesis treatment on antimicrobial and antioxidant activities of pigments extracted from *Rhodotorula glutinis*. 2017. **10**: p. 285-290.
25. Hernández-Almanza, A., et al., *Rhodotorula glutinis* as source of pigments and metabolites for food industry. 2014. **5**: p. 64-72.
26. Poorniammal, R., et al., Yeast carotenoids importance in food and feed industries and its health benefits—A review. 2013. **34**(4): p. 307-312.
27. Panesar, R.J.I.J.F.S.N., Bioutilization of kinnow waste for the production of biopigments using submerged fermentation. 2014. **3**: p. 9-13.
28. Soheili, M., M. KHANDAN, and M.J.M.-i.d.-i.u.-i.p.-i.A. Salami, Evaluation of Anti-Oxidant Activity of *Lavandula angustifolia* using DPPH Method. 2017. **19**(12): p. 70-77.
29. Mueller, G.M., J.P.J.B. Schmit, and conservation, Fungal biodiversity: what do we know? What can we predict? 2007. **16**(1): p. 1-5.
30. Rizk SM, Magdy M. An indigenous inland genotype of the black yeast *Hortaea werneckii* inhabiting the great pyramid of Giza, Egypt. *Frontiers in Microbiology*. 2022. **26**(13): p.997495.

Evaluation of antioxidant properties of pigments isolated from yeasts of food factories

Mohaddeseh Larypoor^{1*}, Mina Shokri moghadam²

1. Assistant Professor of mycology, Faculty of biological Science, Department of Microbiology, Islamic Azad University Tehran North branch, Tehran, Iran

2. Department of biotechnology, Faculty of biological Science, Islamic Azad University Tehran North branch Tehran, Iran

Abstract

The pigment properties of native yeasts have been proven in biotechnology. The ability of pigment production and antioxidant properties of native yeast species are investigated in this research. Among the 26 wastewater of food samples, five yeast isolates were identified in the stages of sampling and biochemical, microscopic, and macroscopic diagnostic tests. The ability to produce pigment and its antioxidant properties were investigated by DPPH, TEAC, and IC50 methods in the samples. Compared with the standard strain, the selected strains were identified using the PCR method and phylogeny tree drawing using MEGA7 software. Based on the results, the better 3 isolates were isolate No.1 (*Rhodotorula* sp. EY12114 (LC229721.1)), isolate No.2 (*Rhodotorula mucilaginosa* OMA Y14 (KR2649021)) and isolate No.5 (*Rhodotorula mucilaginosa* ITS1 (MG0206871)). The highest amount of pigment production was related to isolate No.5 (39.028 PPM), compared to the standard sample *Rhodotorula glutinis* PTCC5256 (47.731 PPM). Isolation and commercialization of indigenous species from factory effluents and optimizing the production of their biocompatible industrial metabolites such as pigments, which are used as antioxidants, permitted edible colors, and preservatives in the production of food products, not only have high-quality industrial efficiency but also It is very economical.

Keyword: Pigment, Antioxidant, *Rhodotorula*

* mlarypoor@yahoo.com